

## Приложение 1

### Дополнительные материалы 1

SSR-маркеры, использованные для анализа сортов мягкой пшеницы

Маркер	Хромосомная локализация	Диапазон длин фрагментов амплификации (п.н.)	Число аллелей
Xgwm357	1A	120–123	3
Xgwm95	2AS	117–125	5
Xgwm155	3AL	140–152	6
Xgwm160	4AL	177–206	8
Xgwm192c	4AS	135–137	2
Xgwm1236	5AL	122–148	8
Xgwm1040	6AS	141–161	7
Xgwm631	7AS	189–208	6
Xgwm18	1BS	177–202	7
Xtaglgap	1BS	214–282	8
Xgwm619	2BL	112–157	10
Xgwm389	3BL	116–146	8
Xgwm513	4BL	137–146	3
Xgwm192a	4BL	189–206	6
Xgwm408	5BL	150–183	7
Xgwm680	6BS	122–133	4
Xgwm871	7B	148–154	3
Xgwm577	7BL	131–164	3
Xgwm337	1DS	176–202	8
Xgwm458	1Dc	111–115	4
Xgwm261	2DS	164–211	8
Xgwm455	2DS	128–155	4
Xgwm3	3DL	77–84	4
Xgwm192b	4DL	140–144	2
Xgwm190	5DS	208–212	3
Xgwm1241	6DS	127–144	6
Xgwm325	6DS	112–146	9
Xgwm437	7DL	99–117	8
Xgwm1154	7DL	131–133	2

## Дополнительные материалы 2

ISBP-маркеры, использованные для анализа сортов мягкой пшеницы

№	Маркер	Длина ампликона	Хромосомная локализация	Структура прямого праймера	Структура обратного праймера
1	ABZNJ_1	290	5BS	GCGTGCACGAGCTCTAGTAA	AAAGTTATCGCTGCGTTTGG
2	AGL35_1	181	5BS	CTTGGACCTTTTGGAGCAA	CCCAAAATCCCAATGCTTAC
3	A1XYO_1	275	5BS	ATCGCAAGATTGAACCCAAA	TGGAGACGTATCAAGCCCTC
4	ADCY1_3	184	5BS	TCATGTTTTATTACCATTTCTGA	GGGGAAAAGGGACATTTGTT
5	AHXK3_2	250	5BS	TTACAAAATCACCCAGGGA	TTGCCGAGATAAGGAAAGGA
6	AKD7C_1	266	5BS	CTTAGAGCATCTCCAACCGC	AGAGAATGGGAGGGAAGTGG
7	BJFJH_1	292	5BS	GGTTCTCTGACACCACCGTT	TGTGCTATGGAGTTCCACCA
8	A4YBI_1	267	5BS	CCTTCTGCCACCATTAGAT	CCTACGCGGCAAGAATAAAA
9	AZH7K_1	126	5BS	GGTGTCCAGGGAGGTAAT	CACCCCGCGCTACTACTAA
10	A1LG4_1	290	5BS	TCATCCACATAGCTTTCCC	ATGCATGACAGAAAATGCGA
11	AOON0_1	148	5BS	CAACAGAAATATTCTTGCAGGC	AAACGAGGACTGGTGTACCG
12	B06H5_1	166	5BL	CGTTCTGGTTTCTCTGAGCC	ATTACCCAATTCAGGCC
13	AT5WJ_1	208	5BL	AGCGTTTGTGAAGCATGTTG	ACCACACGAGATAAGCCACC
14	B1MDB_1	185	5BL	TCTCTCGTTACAACGCATGG	CGAAACAAACATGAACACGG
15	BX8YV_1	221	5BL	TCATGCAATGGGCATAACG	TAAAGGTGCCCCATAACCAC
16	BIC2C_1	243	5BL	CCAACATTTGCTCCTTTTCC	ACAAGTACCAAGTGGTCGGC
17	AJS4B_2	183	5BL	AAAGAGAAGTGCATACCGGC	AAGTAATTCGGAACGGAGGG
18	B3IZ2_1	190	5BL	AGGTAGGCAAGTCTGGGGAC	CATGTTACAATCAGAGGGG
19	BXMYA_1	299	5BL	CTCACCTCGCTTCTACCAC	TCAGCCTCATTGTCTGCTTG
20	BXG5I_2	132	5BL	CTGACGCCAATGATGTTGTC	ATGCGGTTCTATCCTTGGTG
21	A0TH5_1	201	5BL	ATAGACGAAGGACCACACGG	ATTGAGGACAAGATTTCGG
22	BLL7U_1	135	5BL	ATTGCGATCCCCTACACTTG	GAAAGATCTCTACGGGCAG
23	A68K3_1	138	5BL	TCTCCGGAATACGAAGTGC	TGTCGGGATACTCCCTGTGC
24	ATPT5_1	168	5BL	GTACCCCGCGTACTGATAG	AACAACTGGGCCATTCTCTG
25	B0WB1_2	281	5BL	TGGTGAATTGCTATGGGATG	GTTAAACGCTTCCGCTTACG
26	BZQT1_1	267	5BL	ACAAGGGCAAAGTGTTTGG	TCAACTCCGTGATGCTACG
27	AHSF2_1	269	5BL	GGAGCCAGCTCATCAAAGAC	AATGGTCGCAATGGTTTAGC
28	AB2DE_1	185	5BL	GTCTTGCCAACCCTTGAC	GTAGCAGCGCTCTTTCTTCC
29	AXM72_1	151	5BL	TAAAGCAAGCGCTAAGGCTC	CCGCTATGAGCATTGTGAG
30	A7004_1	105	5BL	ATACATCCATTCTCCGACG	TTGCCAAAGTTTACAGTGG
31	BU082_1	290	5BL	CGGGCAAGTAACATACCGAC	CTCTACGACTCAAGCCCAC
32	AY103_1	264	5BL	ATTCGGTACTTGATCGGTG	TCGCGAATATGTCAAGGATG
33	AQZMX_1	149	5BL	CCTCGGACTAAATCCTGAC	TATCTATTTCCCTGTGGGC
34	AX0DK_1	105	5BL	ATACATCCATTCTCCGACG	TTGCCAAAGTTTACAGTGG
35	BK9F4_1	299	5BL	CCCATAGACATCCAAAACCG	GCGGAGACTTCTATGCAAGG
36	A595E_1	210	5BL	TTGCTGCCGCACACTACTAC	CCGGGACTAAAGGTCTAGGG
37	BHIEF_1	119	5BL	AAAAACGTCAAAGGCCTCC	ACGTGGCAAATGAGTGATG
38	B29M6_1	273	5BL	ATGCTAGGTGGTGGCTCAAG	ATGATGCCACATCACCATTG
39	BSM60_3	441	5BL	TCTGCTAAAGTGCATGACGG	TTATACGCCAGTATTCGGGG
40	BUZZS_1	289	5BL	CCTCAAGCCTTCATTCTTGC	ATGAAACCCCAAAATCCTCC
41	BAPYW_1	141	5BL	CGAGCCGCTAGCCATAATAG	TAACATCAGCCTTGACGCAC